10/506610

(12)特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19) 世界知的所有権機関 国際事務局



(43) 国際公開日 2003年9月18日 (18.09.2003)

PCT

(10) 国際公開番号 WO 03/077159 A1

(51) 国際特許分類7: G06F 17/30, A61K 45/00, A61P 43/00

(21) 国際出願番号:

PCT/JP03/02847

(22) 国際出願日:

2003年3月11日(11.03.2003)

(25) 国際出願の言語:

日本語

(活) 国際公開の言語:

日本語

(30) 優先権データ:

2002年3月11日(11.03.2002) JP 特願2002-64994

(71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 株式会社 医薬分子設計研究所 (INSTITUTE OF MEDICINAL MOLECULAR DESIGN. INC.) [JP/JP]; 〒113-0033 東

京都文京区本郷5丁目24番5号角川本郷ビル4F Tokyo (JP).

- (72) 発明者; および
- (75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 富岡 伸夫 (TOMIOKA,Nobuo) [JP/JP]; 〒113-0033 東京都 文京 区 本郷5丁目24番5号 角川本郷ビル4F 株式 会社医薬分子設計研究所内 Tokyo (JP). 板井 昭子 (ITAI,Akiko) [JP/JP]; 〒113-0033 東京都 文京区 本郷 5丁目24番5号角川本郷ビル4F株式会社医薬 分子設計研究所内 Tokyo (JP).
- (74) 代理人: 特許業務法人特許事務所サイクス (SIKS & CO.); 〒104-0031 東京都中央区京橋一丁目 8 番 7 号 京橋日殖ビル8階 Tokyo (JP).

/続葉有/

(54) Title: METHOD OF FORMING MOLECULE FUNCTION NETWORK

(54) 発明の名称: 分子機能ネットワークの生成方法

B. 「生体分子連鎖データベース」の作成 「生体分子情報データベース」の作成 (生体分子対と生体イベントの情報を含む) _c 生体分子又は生体 D コネクト検索 イベントの指定

・任意の生体分子が関わる「分子機能ネットワーク」の生成 ・生体イベントの推定

A...FORMATION OF "BIOMOLECULE CHAIN DATA BASE" (INCLUDING INFORMATION OF BIOMOLECULAR PAIRS AND BIOLOGICAL

B...FORMATION OF "BIOMOLECULE INFORMATION DATA BASE"

C...DESIGNITION OF BIOMOLECULE OR BIOLOGICAL EVENT

D...CONNECT RESEARCH

E...FORMATION OF "MOLECULE FUNCTION NETWORK" IN WHICH ARBITRARY **BIOMOLECULE PARTICPATES**

ESTIMATION OF BIOLGICAL EVENT

(57) Abstract: A method of forming a molecule function network involving the step of performing a connect research using a data base wherein information of biomolecules are hierarchized according to one or more items selected from the group consisting of modified state, active/inactive state, aggregated state and structural change and then stored. Using this biomolecule chain data base which is an assembly of the information of biomolecular bases including biological events, a molecule function network linking molecules within a scope required in function or biosynthesis is formed. Thus, a biological event in the expression of which an arbitrary biomolecule might directly or indirectly participates can be estimated.

(57) 要約: 修飾状態、活性/不活性状態、集合状態、及び構造変化からなる群から選ばれる項目を含む 1 又は 2 以 . 上の項目により生体分子の情報を階層化して保存したデータベースを用いてコネクト検索を行う工程を含む、分子 機能ネットワークの生成方法。

/続葉有1